

**Analyse de l'exome (Recherche) : contact préalable avec le laboratoire requis.**

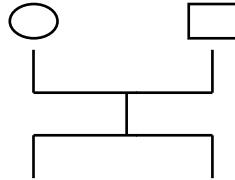
**Identification du patient**                      **Analyse en trio :**  OUI                       NON : **Justification** .....

<p>Identification du patient (étiquette)</p> <p>Nom :</p> <p>Prénom :</p> <p>DN :</p>	<p>Identification des parents :</p> <p><b>Père :</b> <b>!! Mettre une JUSTIFICATION SI prélèvement non fourni</b></p> <p>Nom -Prénom :</p> <p>DN :</p> <p>Symptomatique : oui (codes HPO)/non</p> <hr/> <p><b>Mère :</b> <b>!! Mettre une JUSTIFICATION SI prélèvement non fourni</b></p> <p>Nom-Prénom :</p> <p>DN :</p> <p>Symptomatique : oui (codes HPO)/non</p>
---	--

**Informations familiales**

**Arbre généalogique :**

- : Atteint
- : Sain
- : Conducteur
- : Patient à investiguer



Commentaires :

Cas familiaux : oui/non

+ lien de parenté/symptomatologie (codes HPO) :

Autres antécédents familiaux :

**Analyses génétiques antérieures déjà réalisées**

Caryotype/aCGH (résultat ?) : .....                      Autres : .....

**Informations cliniques**

**CONTEXTE CLINIQUE**

Trouble neurodéveloppemental : oui/non

Si oui, Panel Neurodéveloppemental réalisé au CHU Liège: oui/non

Autre type de pathologie (+ hypothèse diagnostique) : .....

**La précision de l'interprétation et des conclusions d'analyses génétiques dépend de l'indication d'examen, des informations cliniques fournies, et de l'historique familial. Afin de pouvoir vous donner la meilleure interprétation possible, veuillez nous communiquer les informations requises à l'aide de Codes HPO (veuillez consulter le site <https://hpo.jax.org/app/> pour trouver des signes spécifiques à votre patient).**

**Codes HPO obligatoires (code/descriptif) :**

.....

.....

.....

**Forme Syndromique suspectée: oui/non**

.....